

权 利 要 求 书

1、一种藏鸡过氧化物酶体增植物激活受体 α 基因的 SNP 分子标记, 其特征在于, 位于藏鸡过氧化物酶体增植物激活受体 α 基因的外显子 4 的 T29467CT29468C 位点。

5 2、用于检测权利要求 1 所述的 SNP 分子标记的试剂对在鉴定藏鸡过氧化物酶体增植物激活受体 α 基因 SNP 位点的基因型中的应用。

3、如权利要求 2 所述的应用, 其特征在于, 当过氧化物酶体增植物激活受体 α 基因的外显子 4 的 T29467CT29468C 位点可表现为为 TT 或 TCCC 基因型时, 其中 TC 基因型为高海拔地区的藏鸡所特有表明个体为藏鸡。

10 4、用于检测权利要求 1 所述 SNP 分子标记的引物对, 其特征在于, 其核苷酸序列为:

上游引物: TCATCAGTCAGGTCTCAGT, 核苷酸序列如 SEQ ID NO.1 所示;

15 下游引物: CTACTATAACTTAGAGGCTCCT, 核苷酸序列如 SEQ ID NO.2 所示。

5、含有权利要求 54 所述的引物对的试剂盒。

6、一种鉴定藏鸡基因型的方法, 其特征在于, 利用权利要求 54 所述的引物对或权利要求 5 所述的试剂盒, PCR 扩增方法对待测鸡过氧化物酶体增植物激活受体 α 基因外显子 4 的 T29467CT29468C 位点的核苷酸进行检测, 20 直接测序法对扩增产物进行等位基因测序, 判断基因型, 当基因型为 CC 时, 说明待测鸡为藏鸡。

7、根据权利要求 6 所述的方法, 其特征在于, 所述 PCR 扩增的反应条件为: 95℃预变性 5min; 95℃变性 30s; 55℃退火 30s; 72℃延伸 1min, 共 35 个循环, 72℃延伸 10min。

25 8、根据权利要求 6 所述的方法, 其特征在于, 所述 PCR 扩增的反应体系: 上游引物 0.8 μ L, 下游引物 0.8 μ L, DNA 模板 0.8 μ L, Mix13.2 μ L, ddH₂O 9.4 μ L。

9、用于检测权利要求 1 所述的 SNP 分子标记、权利要求 5 所述的试剂

盒以及权利要求 6 所述的鉴定藏鸡基因型的方法在鸡育种中的应用。