

权 利 要 求 书

1、一种基于 FSH β 基因与大白猪繁殖性状相关的分子标记，其特征在于，所述的分子标记位于猪 FSH β 基因第 3 号外显子上，即在 3 号外显子区域 511、617、630、652、678、735、746、921 处，记为 g. 511A>G、g. 617A>G、g. 630C>T、g. 652C>T、g. 678C>T、g. 735C>T、g. 746A>G 和 g. 921A>G。

2、用于检测权利要求 1 所述的分子标记的引物对，其特征在于，包括 FSH β -E3-F 和 FSH β -E3-R，其核苷酸序列分别如 SEQ ID NO.2 和 SEQ ID NO.3 所示。

3、含有权利要求 2 所述引物对的试剂或试剂盒。

41、一种检测基于 FSH β 基因与大白猪繁殖性状相关的权利要求 1 所述的分子标记的方法，其特征在于，所述方法包括：以大白猪基因组 DNA 为模板利用权利要求 2 所述的引物对进行 PCR 扩增获得 PCR 产物，对所述 PCR 产物进行琼脂糖凝胶电泳；

所述的分子标记位于猪 FSH β 基因第 3 号外显子上，即在 3 号外显子区域 617、630、652、678、735、746、921 处，记为 g. 617A>G、g. 630C>T、g. 652C>T、g. 678C>T、g. 735C>T、g. 746A>G 和 g. 921A>G；

所述的引物对包括 FSH β -E3-F 和 FSH β -E3-R，其核苷酸序列分别如 SEQ ID NO.2 和 SEQ ID NO.3 所示。

52、根据权利要求 41 所述的方法，其特征在于，PCR 扩增反应体系为：2×Taq Master Mix 15 μ L，DNA 1.5 μ L，10 μ M 上游引物 1.5 μ L，10 μ M 下游引物 1.5 μ L，ddH₂O 10.5 μ L。

63、根据权利要求 41 所述的方法，其特征在于，PCR 扩增反应程序为：94℃预变性 1.5 min；94℃变性 20 s，56.4℃退火 20 s，72℃延伸 60s，循环 30 次；最后 72℃再延伸 5 min，4℃保存。

74、权利要求 1 所述的分子标记在猪种选育中的应用。